

Jornadas de IMPLANTACIÓN DE SNOMED CT en el ámbito de la investigación biomédica

DATOS BÁSICOS

Objetivo

Formación de carácter especializado para la implementación de SNOMED CT en los sistemas de información, principalmente de biobancos.

Se pretende dotar a los asistentes de conocimientos básicos sobre SNOMED CT para entender su fundamento y profundizar en la metodología de adaptación de las distintas aplicaciones informáticas a su uso.

Acción formativa dirigida a:

Profesionales del sector informático, personal de biobanco o documentalistas de cualquier ámbito de la salud interesados en las bases de datos y los Sistemas de Información, en particular todos aquellos relacionados con la gestión de información biomédica asociada a las muestras biológicas humanas para su uso en investigación biomédica.

Conocimientos previos necesarios

Aunque no es imprescindible se recomienda conocimientos generales sobre codificación médica y su uso a nivel documental. Cualquier conocimiento previo de bases de datos y SNOMED CT, aunque no es necesario, ya que se dedican dos módulos a su aprendizaje desde cero.

Otra información de interés

Puesto que la formación contempla dos perfiles interrelacionados, pero con aplicaciones diferenciadas, se especificará al inicio de cada módulo la intensificación a qué tipo de profesionales está orientada. De este modo los perfiles más informáticos tendrán un mayor detalle sobre lo que a su aplicación se refiere y los perfiles más funcionales podrán conocer cómo gestionar, peticionar y evaluar la calidad de los requisitos técnicos de las aplicaciones informáticas que implantan SNOMED CT.

TEMAS A DESARROLLAR

JORNADAS DE IMPLANTACIÓN DE SNOMED CT EN EL ÁMBITO DE LA INVESTIGACIÓN BIOMÉDICA

	Miércoles 28
9:00-9:30	Registro
9:30-10:00	Sesión Inaugural - Presentación del curso
10:00-10:30	SNOMED CT como herramienta de codificación en la Historia Clínica
10:30-11:00	Enfoques de implementación - Hoja de ruta para la implementación
11:00-11:30	Pausa
11:30-12:00	Servicios y herramientas
12:00-12:30	
12:30-13:00	Licencias y distribución
13:00-13:30	Construyendo el uso en el entorno de la Plataforma Nacional de Biobancos
13:30-14:00	Sistemas de codificación en biobancos (SPREC, BRISQ, MIABIS), conexión con SNOMED CT
14:00-15:30	Pausa
15:30-16:00	Introducción a los componentes principales de SNOMED CT
16:00-16:30	Descripción de contenido terminológico: jerarquías principales 1 (estructura corporal/hallazgos/entidad / observable/ espécimen/procedimientos)
16:30-17:00	jerarquías principales 2 (estadificaciones y escalas/ elementos de registro/ eventos/ situación de contexto explícito/contexto social)
17:00-17:30	Descripción de contenido terminológico: otras las jerarquías complementarias (componentes del modelo/ concepto especial)
17:30-18:00	Modelo conceptual
18:00-18:30	Representación por Diagramas

	Jueves 29
9:00-9:30	Diseño lógico de SNOMED CT
9:30-10:00	
10:00-10:30	Distribución de archivos y formatos - Introducción a RF2
10:30-11:00	
11:00-11:30	Pausa
11:30-12:00	Ampliación y detalle del uso de RF2
12:00-12:30	

12:30-13:00	Introducción a los servicios de terminología
13:00-13:30	Análisis de Interface Terminology
13:30-14:00	
14:00-15:30	<i>Pausa</i>
15:30-16:00	Modelos de DataEntry
16:00-16:30	
16:30-17:00	Esquemas de RecordStorage
17:00-17:30	
17:30-18:00	Modelo de concepto legible por máquina
18:00-18:30	

	<i>Viernes 30</i>
9:00-9:30	Distribución y uso de subconjuntos
9:30-10:00	
10:00-10:30	Mantenimiento y gestión de versiones
10:30-11:00	
11:00-11:30	<i>Pausa</i>
11:30-12:00	Mecanismos de migración a SNOMED CT
12:00-12:30	
12:30-13:00	Análisis de casos de estudio
13:00-13:30	
13:30-14:00	
14:00-14:30	Clausura